

بررسی ارتباط چندشکلی تکنوکلئوتیدی A9194G با خطر اگزون ۴ ژن Survivin با خطر ابتلا به سرطان معده

زهرا باقری اصلی چوبri¹, پریسا محمدی نژاد^{۱*}, محمد مهدی مغنی باشی منصوریه^۲

۱- گروه زیست شناسی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه آزاد اسلامی واحد شهرکرد، شهرکرد، ایران.

۲- گروه ژنتیک، دانشکده پزشکی، دانشگاه آزاد اسلامی واحد کازرون، شیراز، ایران.

چکیده

سابقه و هدف: سرطان معده چهارمین سرطان شایع و دومین علت مرگ و میر به دلیل سرطان در سراسر جهان می‌باشد. ژن Survivin با کد کردن یک پروتئین مهار کننده آپوپتوز، نقش مهمی در حفظ یکپارچگی مخاط معده داشته و برای عملکرد طبیعی معده لازم است. در سرطان معده، بیان این ژن به طور قابل توجهی افزایش می‌یابد. هدف از این مطالعه بررسی چند شکلی تک-نوکلئوتیدی A9194G (rs2071214) در اگزون ۴ ژن Survivin با خطر ابتلا به سرطان معده می‌باشد.

مواد و روش‌ها: در این مطالعه، ژنوتیپ چندشکلی مذکور در ۱۰۱ بیمار مبتلا به سرطان معده و ۱۰۱ فرد سالم از جمعیت عمومی که با بیماران از لحاظ سن و جنس همسان سازی شده بودند با تکیک PCR-RFLP بررسی شد و با آزمون‌های آماری رگرسیون لجستیک و χ^2 آنالیز شد.

یافته‌ها: نتایج این مطالعه نشان داد هیچ یک از ژنوتیپ‌ها و آل‌های چندشکلی A9194G با خطر ابتلا به سرطان معده در ارتباط نبوده است.

نتیجه گیری: نتایج به دست آمده در این پژوهش نشان داد که ژنوتیپ چندشکلی A9194G ژن Survivin با خطر ابتلا به سرطان معده ارتباط معنی‌داری ندارد.

واژه‌های کلیدی: ژن Survivin، مهار کننده آپوپتوز، سرطان معده، چندشکلی تک‌نوکلئوتیدی، rs2071214

مقدمه

یافته) و منتشر (تمایز- نیافته) طبقه بندی گردیده است (۱۶). مکانیسم مولکولی دقیق سرطان معده نامشخص است و یک فرآیند پیچیده چند مرحله‌ای ناشی از کنش بین ژن‌ها و محیط در نظر گرفته می‌شود (۳۰). آلدگی با هلیکوباتریلوری، رژیم غذایی و سیگار کشیدن از فاکتورهای اصلی محیطی مؤثر در ابتلا به سرطان معده هستند (۸، ۲۶، ۱۲).

یکی از ژن‌هایی که در انواع سرطان‌ها جهش می‌یابد ژن کد-کننده Survivin می‌باشد که یک پروتئین مهار کننده آپوپتوز را کد می‌کند که با مهار کاسپاز ۳ و کاسپاز ۷ از فرآیند آپوپتوز جلوگیری می‌کند (۵، ۲۸، ۲۲، ۲۹). این ژن بر روی کروموزوم ۱۷q۲۵ واقع شده است و شامل ۴ اگزون و ۳ اینtron است (۱۵). علاوه بر این، با توجه به این که Survivin در فاز G2/M در تنظیم چرخه سلولی نیز نقش دارد (۳، ۲۲، ۱۷)،

در مخاط معده انسان، Survivin در سلول‌های اپیتلیال سطحی، سلول‌های اصلی و جداری معده بیان می‌شود و نقش

مطالعه‌های اپیدمیولوژیک سرطان معده نشان می‌دهد که این سرطان تنوع جغرافیایی گسترده‌ای داشته؛ به طوری که کشورهای آسیای شرقی، آمریکای جنوبی و مرکزی بیشترین شیوع سرطان معده و کشورهای هند، پاکستان، تایلند، شمال و غرب آفریقا و آمریکای شمالی کمترین شیوع را دارند (۱۰). بروز این سرطان در نواحی مختلف ایران نیز متفاوت است (۲۰، ۲۱، ۲۳). سرطان معده از نظر بافت‌شناسی به نوع روده‌ای (خوب تمایز

نویسنده مسئول:

گروه زیست شناسی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه آزاد اسلامی واحد شهرکرد

پست الکترونیکی: parisa_mohamadynejad@yahoo.com

تاریخ دریافت: ۱۳۹۵/۷/۱۲

تاریخ پذیرش: ۱۳۹۶/۱/۲۸

دانمارک)، ۰/۶ میکرولیتر از هر جفت پرایمر (۵ pmol) و ۱/۵ میکرولیتر DNA ژنومی و ۷/۳ میکرولیتر آب دو بار تقطیر بود. تکنیک PCR طی مراحل دنا توراسیون اولیه در دمای ۹۴ درجه سانتی گراد به مدت ۱۰ دقیقه، ۳۰ سیکل (۹۴ °C به مدت ۳۰ ثانیه، ۵۷°C به مدت ۳۰ ثانیه، ۷۲ °C به مدت ۳۰ دقیقه) و طویل سازی نهایی در دمای ۷۲ درجه سانتی گراد به مدت ۱۰ دقیقه بهینه شد. صحت انجام PCR با انجام الکتروفورز محصول های PCR بر روی ژل آگاروز یک درصد تأیید شد. سپس محصولات PCR توسط آنزیم محدود الاثر (Thermo Scientific، ژاپن) و مطابق دستور العمل SacII کیت تیمار گردید. مواد لازم برای تیمار با آنزیم مذکور در حجم ۱۶ میکرولیتر شامل ۱۰ میکرولیتر آب مقطر، یک میکرولیتر (Thermo Scientific) 10X buffer B آنزیم SacII و ۴ میکرولیتر محصول PCR می باشد. محصول تیمار شده بر روی ژل آگاروز دو درصد الکتروفورز شد و بر اساس طول قطعه های حاصل از هضم آنزیمی ژنتوپیپ هر نمونه تعیین گردید.

آنالیز نتایج حاصل از این پژوهش با استفاده از نرم افزار آماری SPSS 20.0 با آزمون های آماری رگرسیون لجستیک و χ^2 با سطح معنی داری کمتر از ۰/۰۵ انجام شد.

نتایج

اطلاعات عمومی جمعیت مورد مطالعه در جدول ۱ نشان داده شده است.

محصول PCR ۲۳۰ bp طول دارد و نتایج به دست آمده از آنالیز PCR-RFLP به وسیله آنزیم SacII ایجاد دو قطعه ۲۰۶ و ۲۴ می نماید (شکل ۱).

در این مطالعه مورد- شاهدی ارتباط چندشکلی A9194G با خطر ابتلا به سرطان معده واقع در اگزون ۴ ژن Survivin با خطر ابتلا به سرطان معده مورد بررسی قرار گرفت.

مهمی در حفظ یکپارچگی مخاط معده و تجدید سلول های تنظیمی در مخاط معده دارد و بیان آن در سرطان معده افزایش پیدا می کند (۱۹، ۶). بیان بیش از حد Survivin در مقایسه با بافت های طبیعی، در تومور های ریه، سینه، روده- بزرگ، معده، مری، لوزالمعده، مثانه، رحم، تخمدان ها، لنفوم- غیره و چکین، لوکمیا، نوروبلاستوما، ملانوم و سرطان پوست غیر ملانومی نیز گزارش شده است (۲۷، ۲۲، ۱۴، ۳، ۱۰).

چند شکلی های تک نوکلئوتیدی (SNP) یکی از انواع چند شکلی ها می باشد که در سراسر توالی ژنوم یافت می شود. SNP های ناحیه رمز گذار ژن می تواند منجر به تعییر هایی در خواص بیولوژیکی پروتئین ها شود (۱۳).

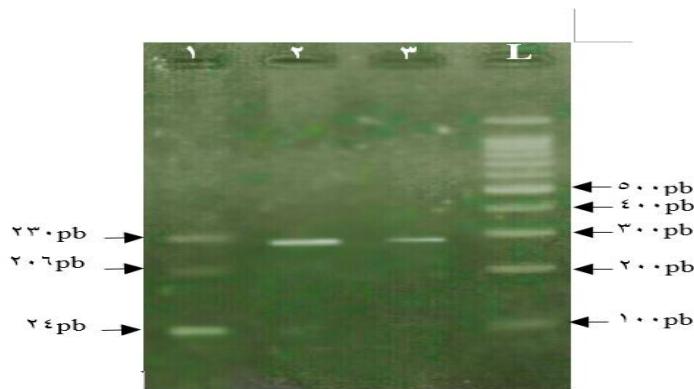
یک چندشکلی شایع در اگزون ۴ ژن Survivin، چندشکلی A9194G است (۲۵). A9194G منجر به تعییر اسید آمینه گلوتامیک اسید به لیزین در کدون ۱۲۹ در اگزون ۴ می شود، که در انتهای کربوکسیل پروتئین قرار دارد اما نقش بیولوژیکی تعییر های اسید آمینه مرتبط با A9194G SNP نهuz روش نشده است (۲۵).

با توجه به نقش ژن Survivin در سرطان ها و ارتباط چند شکلی A9194G با خطر ابتلا به سرطان های ریه (۱۱) و مثانه (۲۵) در این مطالعه برای اولین بار ارتباط چندشکلی مورد اشاره با سرطان معده مورد بررسی قرار می گیرد.

مواد و روش ها

DNA ژنومی از نمونه خون ۱۰۱ بیمار مبتلا به سرطان معده و ۱۰۱ فرد سالم به عنوان گروه شاهد از جمعیت عمومی از لحاظ سن ($5 \pm$ سال) و جنس همسان سازی شده بودند به روش استاندارد رسوب نمکی استخراج گردید (۲۴). پس از طراحی پرایمر برای ناحیه مورد نظر، با روش PCR-RFLP ژنتوپیپ های نمونه ها مشخص گردید. توالی پرایمر رفت، ۵'- GACAG-3' GAAGAAAGAATTGAGGAAACC و ۳'- CAAGACAAAACAA توالی برگشت، می باشد.

مواد لازم برای واکنش PCR در حجم ۱۵ میکرولیتر، شامل ۵ میکرولیتر AMOLIQON (۲ X Taq Master Mix)،



شکل ۱: نتایج الکتروفورز محصول های PCR پس از RFLP برای چندشکلی A9194G

حضور باند ۲۳۰ bp نمایانگر ژنتیپ AA (چاهک ۲ و ۳)، حضور باندهای ۲۰۶ bp / ۲۰۶/۲۳۰ bp نمایانگر ژنتیپ GG (ابن ژنتیپ در جمعیت مورد مطالعه مشاهده نشده است). و حضور باندهای ۲۰۶/۲۳۰ pb AG (چاهک ۱) می باشد L: 100bp DNA lader (سیناژن، ایران).

سرطان معده در ارتباط نبوده است (جدول ۲). همچنان هیچ یک از ژنتیپ های چندشکلی A9194G با خطر ابتلا به نوع سرطان معده (Intestinal و Diffuse) در ارتباط نبوده است (P=۰/۵۱).

همان طور که در جدول ۲ مشاهده می شود بیشترین فراوانی آللی مربوط به آلل A و بیشترین فراوانی ژنتیپی مربوط به ژنتیپ AA می باشد. فراوانی ژنتیپی در جمعیت بیمار و کنترل در تعادل هاردی واینبرگ بود.

نتایج این مطالعه نشان داد که هیچ یک از ژنتیپ ها (P=۰/۲۷) و آلل های (P=۰/۲۸) چندشکلی A9194G با خطر ابتلا به

جدول ۱ - مشخصه های جمعیت مورد مطالعه

مشخصات	گروه کنترل	گروه بیمار	تعداد نمونه ها
جنسيت		۱۰۱	۱۰۱
مرد	۶۷	۶۷	۶۷
زن	۳۴	۳۴	۳۴
سن (سال)			
دامنه سنی			
میانگین سن ± انحراف معیار	۳۳-۸۹	۲۶-۸۵	۵۸/۵۹ ± ۱۲/۳۰
مرد	۵۷/۶۸ ± ۱۱/۶۱	۵۹/۷۷ ± ۱۱/۴۲	۵۸/۳۰ ± ۱۱/۶۰
زن	۵۹/۵۳ ± ۱۱/۶۷	۵۵/۰۴ ± ۱۴/۳۵	۵۵/۰۴ ± ۱۴/۳۵
تعداد افراد مبتلا به هلیکوبکتریلوری *	.	۲۸	
نوع سرطان معده			
Intestinal	.	۳۷	
Diffuse	.	۱۷	
تعداد افراد مبتلا به زخم معده	.	۳۱	

* فرم پرسش نامه

افراد بیمار، نوع سرطان معده (Diffuse, Intestinal) تمام افراد مشخص نشده است و به عنوان missing در آنالیز داده ها در نظر گرفته شده است (۴۷ نفر از افراد بیمار به عنوان missing در نظر گرفته شده است).

جدول ۲ - ارتباط ژنتیکی و آلی چندشکلی A9194G در جمعیت زنان و مردان با خطر ابتلا به سرطان معده.

pValue	95% CI	aOR	گروه بیمار		ن= ۱۰۱	ن= ۱۰۱	ژنوتیپ
			گروه کنترل	n= ۱۰۱			
A9194G پلی مورفیسم							
			فرنس	۹۲ (۰/۹۱)	۹۶ (۰/۹۵)		AA
۰/۲۷	(۰/۶۰-۵/۸۱)	۱/۸۷	۹ (۰/۰۹)	۵ (۰/۰۵)			AG
-	-	-	۰ (۰)	۰ (۰)			GG
جمعیت زنان							
			فرنس	۳۱ (۰/۹۴)	۳۲ (۰/۹۴)		AA
۰/۹۷	(۰/۱۳-۷/۷۹)	۱/۰۳	۲ (۰/۰۶)	۲ (۰/۰۶)			AG
-	-	-	۰ (۰)	۰ (۰)			GG
جمعیت مردان							
			فرنس	۶۱ (۰/۹)	۶۴ (۰/۹۵۵)		AA
۰/۲۰	(۰/۶۰-۹/۹۰)	۲/۴۴	۷ (۰/۱)	۳ (۰/۰۴۵)			AG
-	-	-	۰ (۰)	۰ (۰)			GG
ارتباط آلی							
			فرنس	۱۹۷ (۰/۹۷۵)	۱۹۳ (۰/۹۵۵)		A
۰/۲۸	(۰/۶۰-۵/۵۸)	۱/۸۳	۵ (۰/۰۲۵)	۹ (۰/۰۴۵)			G

جدول ۳ - ارتباط ژنتیکی چندشکلی A9194G ژن Survivin با نوع سرطان معده (Intestinal و Diffuse) در جمعیت زنان و مردان

pValue	95% CI	Aor	Diffuse	Intestinal	ژنوتیپ
فرنس					
۰/۵۱	۰/۱۰-۳/۰۹	۰/۷۱	۷	۳۰	AA
-	-	-	۲	۱۵	AG
-	-	-	۰	۰	GG
جمعیت زنان					
۰/۹۲	۰/۰۴-۱۶/۷۴	۰/۸۷	۸	۷	AA
-	-	-	۱	۱	AG
-	-	-	۰	۰	GG
جمعیت مردان					
۰/۳۹	۰/۲۸-۲۵/۲۴	۲/۶۶	۲۱	۷	AA
-	-	-	۸	۱	AG
-	-	-	۰	۰	GG

افزایش بیان Survivin در چندین نوع سرطان از جمله ریه، سینه، روده بزرگ، معده، مری، لوزالمعده، مثانه، رحم، تخمدارها، لنفوم-غیرهوچکین، لوکمیا، نوروبلاستوما، ملانوم و سرطان پوست غیرملانومی گزارش شده است (۲۷، ۲۴، ۲۲، ۲۰، ۱۴، ۱۲). به نظر می‌رسد که چندشکلی‌های ژن Survivin با اثر بر تولید و یا فعالیت این پروتئین، استعداد ابتلا به سرطان‌های مختلف را تحت تأثیر قرار می‌دهد (۱۱).

در ناحیه کدکننده این ژن نیز، چندین SNP گزارش شده است که یکی از این چندشکلی‌ها (rs2071214) A9194G است (۲۵). A9194G منجر به تغییر اسید آمینه گلوتامیک

بحث

Survivin یک پروتئین سیتوپلاسمی KD ۱۶/۵ و عضو خانواده پروتئین‌های مهارکننده آپوپتوز (IAP) می‌باشد و در تنظیم چرخه سلولی و مهار مسیر آپوپتوز نقش دارد (۲۸، ۲۹، ۷، ۲۲، ۵). به همین دلیل نقش مهمی در رشد و پیشرفت سرطان ایفا می‌کند (۱۱). Survivin به فراوانی در بافت‌های جنینی و رویانی بیان می‌شود اما در اکثر بافت‌های بالغ یا بیان نمی‌شود یا بیان آن کم است (۲۰، ۳، ۹، ۱۴، ۱۹، ۱۸).

یا به دلیل تعداد کم نمونه های مورد مطالعه می باشد و یا این که این چندشکلی در فرآیند سلطان زایی معده نقش ندارد.

پیشنهادات

با توجه به نتایجی که در این مطالعه به دست آمد، پیشنهاد می شود که برای بررسی ارتباط چندشکلی A9194G در زن Survivin با خطر ابتلا به سرطان معده، در جمعیت های متفاوت و با تعداد نمونه های بیشتری استفاده گردد. همچنین نقش عملکردی چندشکلی A9194G مشخص شود.

سپاسگزاری

در پایان لازم می دانیم از پرسنل بیمارستان امید اصفهان و تمامی افراد شرکت کننده در این این مطالعه که در جمع آوری نمونه ها ما را یاری نمودند نهایت امتنان و سپاسگزاری را داشته باشیم.

اسید به لیزین در کدون ۱۲۹ در اگزون ۴ می شود، که در انتهای کربوکسیل پروتئین قرار دارد اما نقش بیولوژیکی تغییرات اسید آمینه مرتبط با SNP A9194G هنوز روشن نشده است (۲۵).

چندشکلی A9194G در دو سلطان، مثانه و ریه مورد بررسی قرار گرفته است. نتایج مطالعه Jin Sung Jang و همکارانش در سال ۲۰۰۸ نشان داد که ژنتیپ GG در مقایسه با ژنتیپ AG+AA خطر ابتلا به سرطان ریه نوع آدنوکارسینوما را افزایش می دهد ($P=0.04$) و پیشنهاد کردن ممکن است چندشکلی های زن که کننده Survivin مارکرهای خوبی برای تعیین استعداد ابتلا به آدنوکارسینوما باشد (۱۱). از طرف دیگر Kawata Naoko و همکارانش در سال ۲۰۱۱ نشان دادند در سرطان مثانه، آلل G و ژنتیپ های AG+GG خطر ابتلا به سرطان مثانه را کاهش می دهد و پیشنهاد شده است که آلل G با کاهش بیان زن Survivin از مهار آپوپتوز جلوگیری می کند (۲۵).

در این مطالعه ارتباط چندشکلی A9194G (rs2071214) در اگزون ۴ زن Survivin با خطر ابتلا به سرطان معده در مبتلایان به سرطان معده در استان اصفهان مورد ارزیابی قرار گرفته است.

نتایج مطالعه حاضر نشان داد که بین انواع ژنتیپ های این چندشکلی و خطر ابتلا به سرطان معده رابطه ای معنی داری وجود ندارد.

به نظر می رسد نتایج حاصل از بررسی این چندشکلی در جمعیت های مختلف و سرطان های متنوع، متفاوت باشد.

لازم به ذکر است که فراوانی واریانت A9194G در اروپا، آسیا، آفریقا و آمریکا به ترتیب 0.021 ، 0.022 و 0.029 گزارش شده است (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov>). این در حالیست که در مطالعه حاضر فراوانی A9194G 0.0955 می باشد که می توان آن را به تفاوت های نژادی نسبت داد.

نتیجه گیری

با توجه به ارتباط معنی دار چندشکلی A9194G با خطر ابتلا به سرطان مثانه و عدم ارتباط آن با سرطان ریه، عدم ارتباط چندشکلی فوق با خطر ابتلا به سرطان معده در مطالعه حاضر

منابع

1. Adida C, Berrebi D, Peuchmaur M, Reyes-Mugica M, et al. Antiapoptosis gene, survivin, and prognosis of neuroblastoma. *Lancet*. 1998; 351:882 – 883.
2. Adida C, Crotty PL, McGrath J, Berrebi D, et al. anti-poptosis gene survivin in human and mouse differentiation. *Am J Pathol*. 1998; 152(1):43–49.
3. Altieri DC. The molecular basis and potential role of survivin in cancer diagnosis and therapy. *Trends Mol Med*. 2001; 7:542–547.
4. Ambrosini G, Adida C, Altieri DC. A novelanti-apoptosis gene, survivin expressed in cancer and lymphoma. *Nat Med*. 1997; 3: 917–926.
5. Borbe'ly AA, Murvai M, Szarka K, Ko'nya J, et al. Survivin promoter polymorphism and cervical carcinogenesis. *J Clin Pathol*. 2007; 60:303–306.
6. Chiou SK, Moon WS, Jones MK, Tarnawski AS. Survivin expression in the stomach: implications for mucosal integrity and protection. *Biochem Biophys Res Commun*. 2003; 305: 374–379.
7. Deveraux QL, Reed JC. IAP family proteins–suppressors of apoptosis. *Genes Dev*. 1999; 13:239–252.
8. Freedman ND, Abnet CC, Leitzmann MF, Mouw T, et al. A prospective study of tobacco, alcohol, and the risk of esophageal and gastric cancer subtypes. *Am J Epidemiol*. 2007; 165:1424–33.
9. Fukuda S, Pelus LM. Survivin, a cancer target with an emerging role in normal adult tissues. *Mol Cancer Ther*. 2006; 5:1087– 1098.
10. He J, Gu D, Wu X, et al. Major causes of death among men, women in China. *N Engl J Med*. 2005; 353:1124–1134.
11. Jang JS, Kim KM, Kang KH, Choi JE, et al. Polymorphisms in the survivin gene and the risk of lung cancer. *Lung Cancer*. 2008; 60:31–9.
12. Kamangar F, Sheikhattari P, Mohebtash M. Helicobacter pylori and its effects on human health and disease. *Arch Iran Med*. 2011; 14:192–9.
13. Kim BC, Kim WY, Park D, Chung WH, et al. SNPs Promoter: a database of human SNPs (single nucleotide polymorphisms) within the putative promoter regions. *BMC Bioinformatics*. 2008; 9(1): S2.
14. Krieg A, Mahotka C, Krieg T, Grabsch H. Expression of different survivin variants in gastric carcinomas: first clues to a role of survivin-2B in tumour progression. *British Journal of Cancer*. 2002; 86, 737 – 743.
15. Kshitij Sr, Anvesha Sr, Balraj M. Survivin promoter -31G/C (rs9904341) polymorphism and cancer susceptibility: a meta-analysis. *Mol Biol Rep*. 2012; 39:1509–1516.
16. Lauren P. The two histological main types of gastric carcinoma:diffuse and so-called intestinal-type carcinoma. an attempt at ahisto-clinical classification. *Acta Pathol Microbiol Scand*. 1965; 64:31–49.
17. Li F, Ambrosini G, Chu EY, et al. Control of apoptosis and mitotic spindle checkpoint by survivin. *Nature*. 1998; 396:580–584.
18. Li F, Brattain MG. Role of the Survivin gene in pathophysiology. *Am J Pathol*. 2006; 169:1–11.
19. Li Yang, Huaijun Zhu, Bo Zhou, Haijuan Gu. The Association Between the Survivin C-31G Polymorphism and Gastric Cancer Risk in a Chinese Population. *Dig Dis Sci*. 2009; 54:1021– 1028.
20. Malekzadeh R, Derakhshan MH, Malekzadeh Z. Gastric Cancer in Iran: Epidemiology and Risk Factors. *Arch Iran Med*. 2009; 12(6): 576-583.
21. Malekzadeh R, Sotoudeh M, Derakhshan M H, Mikaeli J, et al. Prevalence of gastric precancerous lesions in Ardabil, a high incidence province for gastric adenocarcinoma in the northwest of Iran. *J Clin Pathol*. 2004; 57: 37-42.
22. Maria G, Nikolaos T, George R, et al. Survivin -31G/C promoter polymorphism and sporadic colorectal cancer. *Int J Colorectal Dis* 2009; 24:145–150.

23. Mashhadi MA, Nezam K, Abdollahnejad MJ. Gastric cancer in south East of Iran. IJHOSCR. 2009; 3(4): 38-42.
24. Miller, S., Dykes, D., Polesky, H. A simple salting out procedure for extracting DNA from human nucleated cells. Nucleic Acids Rrs. 1998; 16, 1215.
25. Naoko K, Norihiko T, Yohei H, Takamitsu I. Two survivin polymorphisms are cooperatively associated with bladder cancer susceptibility. International Journal of Cancer. 2011; 1872–1880 .
26. Parsonnet J, Chang Y. Helicobacter pylori infection in intestinal_and diffuse_type gastric enocarcinomas J Nat Cancer Inst. 1991; 83:640 643.
27. Sui L, Dong Y, Ohno M, Watanabe Y, Sugimoto K, Tokuda M. Survivin xpression and its correlation with cell prolif-eration and prognosis in epithelial ovarian tumors. Int J Oncol .2002; 21(2):315–320.
28. Tamm I, Wang Y, Sausville E, Scudiero DA, et al. IAP-family protein survivin inhibits caspase activity and apoptosis induced by Fas (CD95), Bax, caspases, and anticancer drugs. Cancer Res. 1998; 58: 5315 – 5320.
29. Wenzel M, Mahotka C, Krieg A, Bachmann A, et al. Novel survivin-related members of the inhibitor of apoptosis (IAP) family [letter]. Cell Death Differ. 2000; 7: 682 – 683.
30. Wu MS, Chen CJ, Lin JT. Host–environment interactions: their impact on progression from gastric inflammation to carcinogenesis and on development of new approaches to prevent and treat gastric cancer. Cancer Epidemiol Biomarkers Prev. 2005; 14: 1878–1882.

